

• اگر یک mRNA با نیمی عمر نسبتاً کوتاه در یک سلول و در زمان خاصی پدیدار شود (یعنی انتخاب شود یا پدیدار شود) تنها در آن زمان خاص و مکان خاص می‌تواند به طور ویژه ای p۲ تولید کند.

• غالباً پدیدار یک mRNA به طول دم پلی A بستگی دارد (که آن هم به نوبت خود تا حد بسیار زیادی به توالی 3' UTR بستگی دارد)

**گفتار ۳ تنظیم بیان ژن**

0023

• مثال: mRNA کازین در بافت غده پستان موش صحرایی نیمه عمری حدود ۱ ساعت دارد. اما به هنگام تولید پرولاکتین، حضور این هورمون نیمه عمر mRNA کازین را ۲۸۱۵

در سال گذشته آموختید که همه یاخته‌های پیکری بدن از تقسیم میتوز یاخته تخم ایجاد می‌شوند. یاخته‌های حاصل، از نظر کروموزومی و ژن‌ها یکسانند. با این حال در ادامه تقسیمات و رشد جنین، یاخته‌های متفاوتی ایجاد می‌شوند که اعمال مختلفی انجام می‌دهند. مثلاً یاخته‌های عصبی و ماهیچه‌ای بدن یک فرد، ژن‌های یکسانی دارند ولی دارای عملکرد و شکل متفاوتی هستند. حال این سوال مطرح می‌شود که چگونه ممکن است یاخته‌هایی با ژن‌های یکسان تا این حد متفاوت باشند؟ پاسخ این است که در هر یاخته تنها تعدادی انواع ژن‌های روشن و خاموش در سلول‌های مختلف، متفاوت است. از ژن‌ها فعالند و سایر ژن‌ها غیر فعال هستند هرگاه اطلاعات ژنی در یک یاخته مورد استفاده قرار بگیرد می‌گوییم آن ژن بیان شده است و به اصطلاح روشن است و ژنی که مورد استفاده قرار نمی‌گیرد خاموش است و می‌گوییم بیان نمی‌شود. مقدار، مدت و زمان استفاده از ژن در یاخته‌های مختلف یک جاندار ممکن است فرق داشته باشد. به فرآیندهایی که تعیین می‌کنند در چه هنگام، به چه مقدار و کدام ژن‌ها بیان شوند و یا بیان نشوند، فرآیندهای تنظیم بیان ژن می‌گوییم. تنظیم بیان ژن فرآیندی بسیار دقیق و پیچیده است و نور- دم - PH که به سازگاری جاندار عوامل متعددی ممکن است بر آن اثر بگذارند. تنظیم بیان ژن موجب می‌شود تا جاندار به تغییرات پاسخ دهد. مثلاً در گیاه، (نور) می‌تواند باعث فعال شدن ژن سازنده آنزیمی شود که در فتوسنتز مورد استفاده قرار

می‌گیرد. در نبود نور ژن بیان نمی‌شود. هم‌چنین تنظیم بیان ژن می‌تواند موجب ایجاد یاخته‌های مختلفی از ماهیچه تا نایز به انواع مختلف mRNA ساخته شده در طول زندگی باشد. سلول‌های ایمن حاصل از تنبلی سلول‌های بنیادی (هماتوپوئیتیک استم سل در مغز استخوان) یک یاخته شود. که به آن تمایز گفته می‌شود. یاخته‌های متفاوتی که از مغز استخوان ایجاد می‌شوند، مثالی

مناسب در این مورد هستند. در مورد این یاخته‌ها در کتاب دهم مطالبی را فرا گرفتید. آیا می‌توانید برخی

یاخته‌های تمایز یافته حاصل از مغز استخوان را نام ببرید؟ سلول‌های اخذاری رده‌ی لنفوسیتی و سلول‌های T-cell - B-cell

مگا کاربو سی - گلبول قرمز - ماستوسیت - میوبلاست - نوتروفیل - بازروفیل - اوتروفیل - ماستوسیت

0024

محصول ژن، رنا و پروتئین است؛ بنابراین تغییر در فعالیت ژن‌ها، بر ساخت این محصولات نیز اثر می‌کند. چون محل رونویسی و ترجمه سیتوپلاسم است و سطوح کمتری برای بیان ژن (نسبت به پروکاریوت‌ها) وجود دارد. تنظیم بیان ژن در پروکاریوت‌ها می‌تواند در هر یک از مراحل ساخت رنا و پروتئین تأثیر بگذارد ولی به

طور معمول تنظیم بیان ژن در مرحله رونویسی انجام می‌شود. در مواردی هم ممکن است یاخته با تغییر در پدیدار شدن پلی A (مثلاً با افزودن یک پیرت (مثل پیرن کلسیم) و یا افزودن گروه فسفات و استات به p۲ پایداری رنا یا پروتئین، فعالیت آن را تنظیم کند.

- تنظیم بیان ژن در پروکاریوت‌ها در کدام سطوح انجام می‌شود؟ ۱. رونویسی ۲. ترجمه ۳. تغییرات p۲
- در یوکاریوت‌ها ۱. رونویسی ۲. کنترل در سطح پردازش RNA ۳. کنترل در سطح انتقال RNA ۴. ترجمه ۵. تغییرات p۲

• مثلاً سیون سیتوزینی (۵ - متیل سیتوزین) مکانیسم اصلی تنظیم رونویسی در مرموزان است. Regulation of gene expression<sup>1</sup>

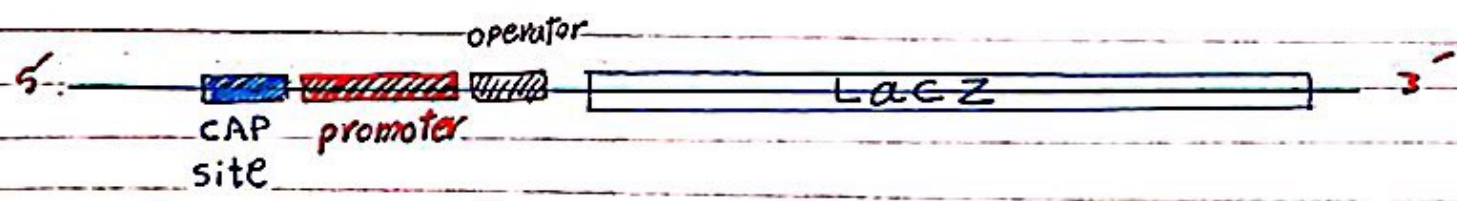
- در مرموزان وجود سیتوزین‌های متیل در پروموتور ۱۹ با مهار رونویسی آن ژن همراه است.
- در مواردی که ژن‌ها متیل شده باشند، دسترس عوامل رونویسی به آنها کم است.
- در برخی سلول‌ها ژن‌ها هیچ الگوی متیلاسیون ندارند، این موضوع به آنها قدرت تمایز به انواع سلول‌ها را می‌دهد.

- سنتز  $p\alpha$  پایان داستان نیست.  $p\alpha$  ساخته شده عضوی از یک سازمان بزرگتر می شود به عنوان مثال ممکن است بخشی از اسکلت ساختاری سلول شود. و یا اینکه در تجزیه متابولیت های سلولی به عنوان آنتی بیوتیک وارد عمل شود.
- با این حال می تواند تغییرات متعددی روی  $p\alpha$  رخ دهد که تعیین کننده ی فعال بودن یا فعال نبودن یک  $p\alpha$  است.
- بعضی از  $p\alpha$  های تازه سنتز شده تا زمان جدا شدن بخش های مهار کننده، غیر فعال خواهند بود مثل پیپسینوزن - پروترومبین - پروانسولین -  $p\alpha$  های مکمل
- این  $p\alpha$  ها زمانی فعال می شوند که به مکان ویژه ی خود در درون سلول منتقل شوند.

- برخی  $p\alpha$  ها اغلب در مناطق عملکردی خاص از سلول گردهم می آیند (مثلاً در عشاء ها، لیزوزوم، هسته، میتوکندری...)
- برخی  $p\alpha$  ها جهت تشکیل یک واحد عملکردی به هم متصل می شوند (مثلاً: هموگلوبین -  $p\alpha$  ریپوزی - میکروتوبول...)
- برخی  $p\alpha$  ها در صورتی فعال می شوند که یک یون مثل یون کلسیم به آنها متصل شود.
- " " " " که یک گروه فنفات یا اسنات به طور کوالان به آنها اضافه شود. (گلیکیرت)

• **لودیشن ↓**

- در *E. coli* نیی از ژن ها به صورت operon خوشه بندی شده اند.
- operon دستجاتی از ژن ها هستند که کد کننده ی مجموعه آنتی بیوتیک های می باشند که باید مسیر متابولیکی در ارتباطند و یا  $p\alpha$  های که با یکدیگر برهم کنش داده تا یک  $p\alpha$  چند زیر واحدی را تشکیل دهند.
- کنترل رونویسی اپران ها و همین طور ژن های مجزا با اثر متقابل میان RNA پلی مرز و  $p\alpha$  های فعال کننده و مهار کننده صورت می گیرد.
- به منظور آغاز رونویسی، RNA پلیمرز می بایست با یکی از فاکتورهای سیگما ارتباط برقرار کند.
- متداول ترین فاکتور سیگما در یو باکتری ها  $\sigma^{70}$  است.
- سیگما  $\sigma^{70}$  به RNA پلیمرز و توانی DNA پروموتری متصل شده و آنتی بیوتیک RNA پلیمرز را به سمت پروموتر هدایت می کند.
- برای آغاز رونویسی اپران lac، زیر واحد یک باید به پروموتر در مناطق -10 و -35 متصل شود.



- رونویسی از اپران لک در شرایط متفاوت توسط مهار کننده ی lac و  $p\alpha$  فعال کننده ی کاتابولیت کنترل می شود.
- به جایگاه CAP متصل می شود.

- زمانی که نامت E در محیط لاکتوز به سر می برد سنتز mRNA لاکتوز سرکوب شده تا انرژی سلول برای ساخت آنتی بیوتیک های سلول به آن ها نیازی نرارد به هدر نرود (NO mRNA LacZ transcription)
- در محیط حاوی لاکتوز و گلوکز سلول های E ترجیح می دهند تا گلوکز را که مولکول اصلی در متابولیسم کربوهیدرات هاست، متابولیزه کنند. (Low transcription)
- لاکتوز تنها زمانی با سرعت زیاد متابولیزه می شود که محیط حاوی لاکتوز اما فاقد گلوکز باشد. (High transcription)



انواع اپراتور - ۱. درون راه انداز (مثل اپران تریپتوفان)  
 ۲. بین راه انداز و ژن های رمز کننده آتریم ها (اپران lac)

**محصولات اپران تک :**

مکروکنز + گالاکتوز → بناگالاکتوزیاز → لاکتوز + آب  
 [توسط ژن 1 LacZ] هیپرولینز لاکتوز را به عهده دارد  
 " گالاکتوزید پرمیاز (کد پرمیاز) [ " 2 Y ] انتقال لاکتوز از غشای باکتری را به عهده دارد  
 " تیوگالاکتوزید ترنس استیلاز [ " 3 A ] نقش فیزیولوژیکی آن در ارتباط با استفاده از لاکتوز  
 این آتریم سلول را از سم بودن تیوگالاکتوزید محافظت می کند.  
 نمی باشد - این آتریم مولکولهای اضافی گلوکز را که تجزیه نشده اند، استیل می کند تا بتوانند به راحتی از غشای سلول به خارج عبور کنند (گلوکز → روشن شدن اپران تک)

**ژن های باکتری:**

۱. ژن های دائمی و تنظیم بیان آنها مستقل از فعالیت سوپسترا (پیش ماده) محیطی است. فعالیت این ژن ها با سرعت ثابت و به طور دائمی است.  
 ۲. ژن های قابل کنترل: " " " " بر حسب شرایط محیطی تغییر می کند

ژن های قابل کنترل دو نوع هستند:

الف/ ژن های القاء شونده (Inducible genes) محصول این ژن ها در حضور یک مولکول اختصاصی افزایش می یابد  
 برای مثال: تولید بناگالاکتوزیاز (لاکتاز) با حضور سوپسترای آن (لاکتوز) در محیط کشت افزایش می یابد.

ب/ ژن های سرکوب شونده (Suppressible genes) محصول این ژن ها در حضور یک ماده به خصوص کاهش می یابد  
 برای مثال: در اپران تریپتوفان، (در E. coli) در حضور تریپتوفان، ژن های آتریم سازنده تریپتوفان خاموش می شود.

اپران: گروهی از چند ژن متوالی که فقط دارای یک پروموتور هستند و هماهنگ با هم تنظیم می شوند.  
 در واقع به حرکت از توالی های سازنده یک پیر پیپتید در یک اپران سیترون (ژن) گفته می شود.

**هر اپران شامل:**

۱. ژن های ساختاری (structural genes): محصولات این ژن ها ممکن است آتریم، انواع p<sub>r</sub> های دیگر، tRNA یا rRNA باشند. محصولات ژن های ساختاری برای بقای سلول ضروری هستند.  
 ۲. توالی های تنظیمی (Regulatory sequence) این توالی ها شامل پروموتور (راه انداز) اپراتور توالی های تضعیف کننده و سایر توالی های تنظیمی مانند جایگاه اتصال به CAP می باشند.  
 این توالی ها در واقع نوعی عنصر پاسخ دهنده سیس هستند.

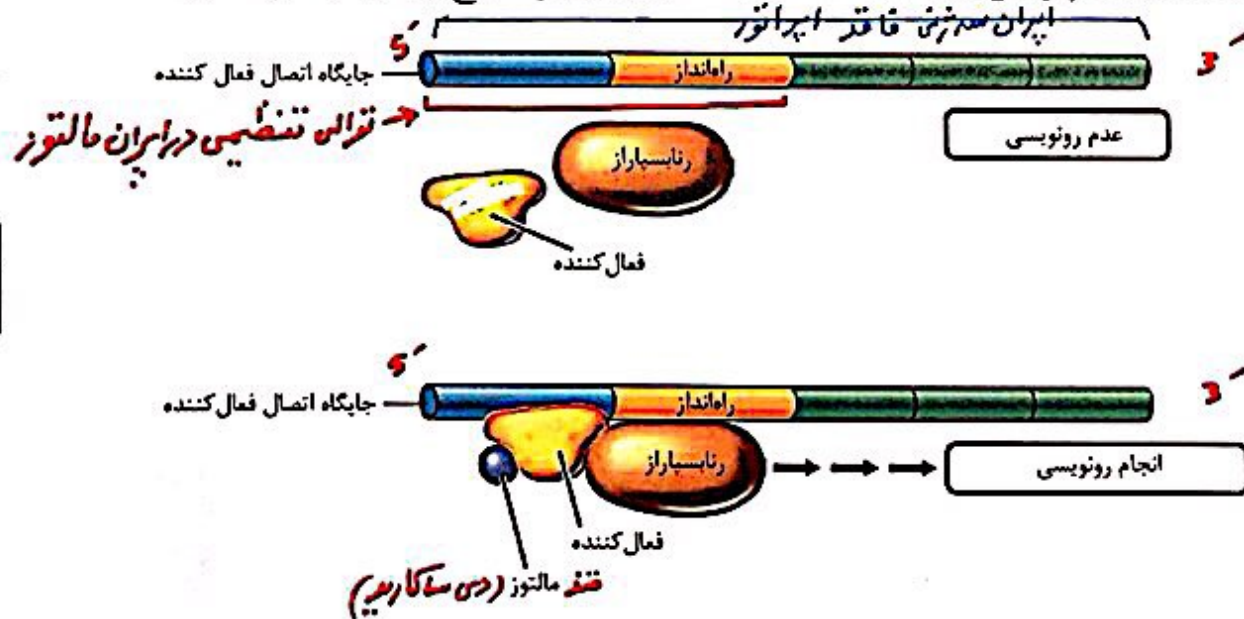
انجام دهد. محصولات این ژن‌ها تجزیه لاکتوز را ممکن می‌کند. (شکل ۱۸-ب)  
 شکل ۱۸: الف) عدم رونویسی ژن‌ها در غیاب لاکتوز ب) رونویسی ژن‌ها در حضور لاکتوز

### تنظیم مثبت رونویسی



در این نوع تنظیم پروتئین‌های خاصی به رنا بسیاراز کمک می‌کنند تا بتواند به راه‌انداز متصل شود و رونویسی را شروع کند. مثال این نوع تنظیم نیز در باکتری اشرشیاکلاهی وجود دارد. مشخص شده که اگر در محیط باکتری، قند مالتوز<sup>۱</sup> وجود داشته باشد، درون باکتری آنزیم‌هایی ساخته می‌شوند که در تجزیه آن دخالت دارند. در عدم حضور مالتوز، این آنزیم‌ها ساخته نمی‌شوند چون باکتری نیازی به آن‌ها ندارد.

تنظیم رونویسی در مورد این ژن‌ها به صورت مثبت انجام می‌شود. در حضور قند مالتوز، انواعی از پروتئین به نام فعال‌کننده<sup>۲</sup> وجود دارد که به توالی‌های خاصی از دنا متصل می‌شوند. به این توالی‌ها جایگاه اتصال فعال‌کننده<sup>۳</sup> گفته می‌شود. (شکل ۱۹-الف) در حضور مالتوز در محیط، پروتئین فعال‌کننده به جایگاه خود متصل می‌شود و پس از اتصال به رنا بسیاراز کمک می‌کند تا به راه‌انداز متصل شود و رونویسی را شروع کند. چه عاملی تعیین می‌کند که فعال‌کننده به جایگاه خود بچسبد؟ این عامل مالتوز<sup>۳</sup> است. اتصال مالتوز به فعال‌کننده باعث پیوستن آن به جایگاه اتصال شده و رونویسی شروع می‌شود. (شکل ۱۹-ب)



شکل ۱۹: تنظیم مثبت رونویسی ژن‌های موثر در تجزیه مالتوز

<sup>۱</sup> Maltose  
<sup>۲</sup> Activator  
<sup>۳</sup> Activator Binding Site

## لود بیش :

- در باکتری ها، کنترل ژن سبب شده تا یک تک سلول بتواند خود را در پاسخ به تغییرات محیط سازگار کند تا رشد و تقسیم آن به صورت مطلوب صورت گیرد.
- در موجودات پرسلولی نیز، تغییرات محیطی موجب القای تغییر در بیان ژن می شود. مثال :  
در شرایط غلظت کم آکسیژن (هیپوکسی) گروه خاصی از ژن ها که امکان بقای سلول را در این شرایط فراهم می کنند القا می شوند، از جمله آن ها می توان به ترشح p<sub>r</sub> های رگزا (angiogenic proteins) اشاره کرد که سبب رشد و نفوذ مویرگ های جدید به بافت های اطراف می شوند.
- هدف اصلی و مهم جانبی کنترل ژن در موجودات پرسلولی اجرای برنامه ژنتیکی است که اساس رشد و نمو جنینی را تشکیل می دهد. ایجاد سلول های متفاوت که در مجموع یک موجود زنده پرسلولی را تشکیل می دهند بسته به آن است که ژن های صحیح، در سلول های صحیح و در زمان صحیح در طول دوره رشد و نمو بیان شوند.

۱. ترجمه mRNA تحت شرایط خاص

۲. تنظیم سرعت p<sub>r</sub> سازی

۳. استقرار از قالب های بازخوانی بالادست (UORF)

۴. تنظیم ترجمه به وسیله RNA آنتی سنس

۵. تنظیم ترجمه به وسیله فسفریلاسیون فاکتورهای پروتئین ساز

## • تنظیم ترجمه (Translation Control) :

- انتخاب AUG به عنوان کدون آغازگر به توالتی های اطراف آن بستگی دارد و الزاماً اولین AUG انتخاب نمی شود.

بیشتر بدانید.

P  
0028

در باکتری‌ها ژن‌هایی که محصولات آنها چند فرآیند مرتبط به هم را کنترل می‌کند در واحدهایی به نام اپران<sup>۱</sup> قرار گرفته‌اند و بیان یا عدم بیان آن‌ها به طور هماهنگ انجام می‌شود. برای مثال برای جذب و تجزیه لاکتوز در باکتری اشرشیاکلاهی<sup>۳</sup> آنزیم مورد نیاز است که ژن‌های سازنده آن‌ها در کنار هم قرار دارند و توسط یک بخش تنظیمی کنترل می‌شوند. به مجموعه این ژن‌ها و بخش تنظیمی آن اپران گفته می‌شود. مثال دیگر، ژن‌های مسئول ساخت آمینواسید تریپتوفان است. ۵ ژن در ساخت این آمینواسید دخالت دارند که در یک اپران قرار دارند.

بیشتر بدانید.

P  
0029

تنظیم منفی در پروکاریوت به دو صورت القایی<sup>۱</sup> و مهارتی<sup>۲</sup> انجام می‌شود. در حالت القایی، حضور یک ماده موجب بیان ژن‌ها می‌شود. تنظیم بیان ژن در حضور لاکتوز مثالی از تنظیم منفی از نوع القایی است. در حالت مهارتی، حضور یک ماده موجب خاموش شدن ژن و عدم بیان آن‌ها می‌شود. مثال این نوع تنظیم در مورد آمینواسید تریپتوفان دیده می‌شود. در باکتری اشرشیاکلاهی با حضور تریپتوفان، ژن‌هایی که در ساخت آن دخالت دارند خاموش می‌شوند. وقتی تریپتوفان در محیط نیست، این ژن‌ها روشن می‌شوند تا آنزیم‌های سازنده تریپتوفان ساخته شوند.

فلکتورهای پروکاریوتی، کنترل‌های پیش‌ترنسکریپشنی، تنظیم لاکتوز RNA ها لاکتوز

تنظیم بیان ژن در پروکاریوت‌ها، بستگی دارد به: نوع سلول، محیط اطراف سلول، سن سلول و پیام‌رسان‌ها که خارج سلول

P  
0030

تنظیم بیان ژن در پروکاریوت‌ها پیچیده‌تر از پروکاریوت‌هاست و می‌تواند در مراحل بیشتری انجام شود. به طور مثال غشای هسته نسبت به شردن محل رونویسی در ترجمه میثاق‌بند بوده و نیز هم‌تراز با آن نیستند. یاخته‌های پروکاریوتی توسط غشاهای مختلف تقسیم شده‌اند. بنابراین اگر یاخته بخواهد نسبت به یک ماده یا یک علامت واکنش نشان دهد باید این عوامل به طریقی از غشاهای عبور کند و ژن‌ها را تحت تأثیر قرار دهند. ژن‌ها برخی در هسته و برخی در میتوکندری و پلاست‌ها قرار دارند. در هر یک از این محل‌ها، یاخته می‌تواند بر انجام یا عدم انجام آن فرآیند نظارت داشته باشد بنابراین تنظیم بیان ژن می‌تواند در مراحل متعددی انجام شود. ۱- در سطح رونویسی ۲- در سطح پردازش RNA ۳- در سطح انتقال RNA ۴- در سطح ترجمه ۵- در سطح تغییرات mRNA

**کلیت:** RNA پلیماز کوکارتوس برای اتصال کارآمد به پروموتور به حضور p2 های دیگری به نام عوامل رونویسی نیاز دارند.

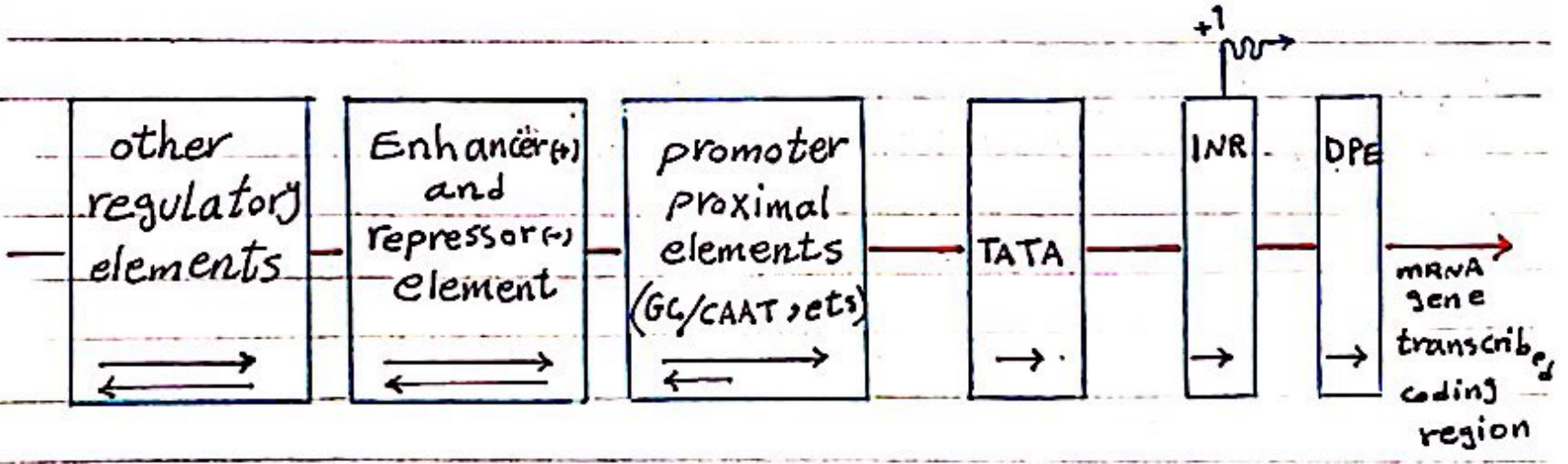
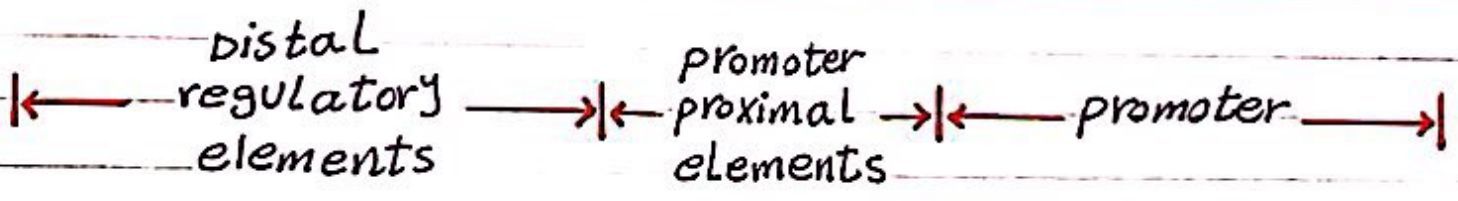
• ترفیای رمزگردان پیوستن توسط RNA پلیماز II رونویسی می شوند و حداقل شش عامل رونویسی برای آغاز مناسب رونویسی توسط این پلیماز ضروری هستند.

**TFIID - A - B - E - F - H**  
 ↳ Factor  
 ↳ Transcription

• توانایی عوامل رونویسی برای اتصال به RNA پلیماز توسط دو دسته p2 تنظیم می شود:  
 ۱. عوامل وابسته به TBP (TAFs)  
 ۲. کمپلکس های واسطه

تسهیل کننده (Enhancer): یک توالی DNA است که بازده و سرعت رونویسی یک پروموتور خاص را کنترل می کند. تعیین می کند که کجا و در چه زمانی، یک پروموتور فعال شده و چه مقدار محصول ژن ساخته شود. البته تنها قادر به فعال کردن پروموتورهایی که بر روی همان کروموزوم قرار دارند می باشند.

**پروموتور در یوکاریوت ها**



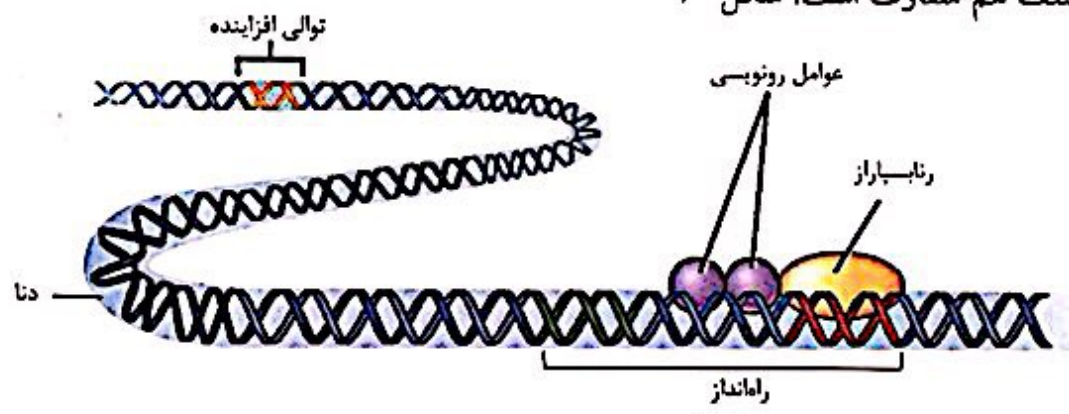
*[Faint handwritten notes at the bottom of the page]*



بیشتر بدانید.

بعضی ژن‌ها در یاخته‌ها به طور دائم بیان می‌شوند. ژن‌های سازنده اجزای ریبوزوم از این جمله‌اند این ژن‌ها رنای ریبوزوم و پروتئین‌های آن را می‌سازند. با توجه به نیاز یاخته‌های در حال تقسیم به تعداد زیادی ریبوزوم، این ژن‌ها به طور دائم روشن هستند.

تنظیم بیان ژن در مرحله رونویسی عوامل رونویسی <بروکاریوت‌ها> عوامل رونویسی متصل به راه انداز در یوکاریوت‌ها نیز مانند پروکاریوت‌ها، رونویسی با پیوستن رنابسپاراز به راه‌انداز آغاز می‌شود. در یوکاریوت‌ها رنابسپاراز نمی‌تواند به تنهایی راه‌انداز را شناسایی کند و برای پیوستن به آن نیازمند پروتئین‌هایی به نام عوامل رونویسی<sup>۱</sup> هستند. گروهی از این پروتئین‌ها با اتصال به نواحی خاصی از راه‌انداز، رنابسپاراز را به محل راه‌انداز هدایت می‌کند، چون تمایل پیوستن این پروتئین‌ها به راه‌انداز در اثر عواملی تغییر می‌کنند، مقدار رونویسی ژن آن هم تغییر می‌کند. توالی‌های راه‌انداز مثالی از این عوامل است. توالی راه‌اندازها در ژن‌های مختلف در بخش‌هایی متفاوتند. بنابراین تمایل عوامل رونویسی هم برای پیوستن به راه‌اندازهای مختلف هم متفاوت است. شکل ۲۰



شکل ۲۰: تنظیم بیان ژن در یوکاریوت‌ها

در یوکاریوت‌ها ممکن است عوامل رونویسی دیگری به بخش‌های خاصی از دنا به نام توالی افزاینده<sup>۲</sup> متصل شوند. با پیوستن این پروتئین‌ها به توالی افزاینده و با ایجاد خمیدگی در DNA عوامل رونویسی در کنار هم قرار می‌گیرند. کنار هم قرارگیری این عوامل، سرعت رونویسی را افزایش می‌دهند. توالی‌های افزاینده متفاوت از راه‌انداز هستند و ممکن است در فاصله دوری از ژن قرار داشته باشند. اتصال این پروتئین‌ها بر سرعت و مقدار رونویسی ژن موثر است. شکل ۲۱

<sup>1</sup> Transcription Factors  
<sup>2</sup> Enhancer

• سطوح تنظیم بیان ژن در یوکاریوتها :

(مثلاً هنتروکروماتین)

۱. قبل از رونویسی : مکانیسم های نظیر فشردگی DNA و متیلاسیون DNA

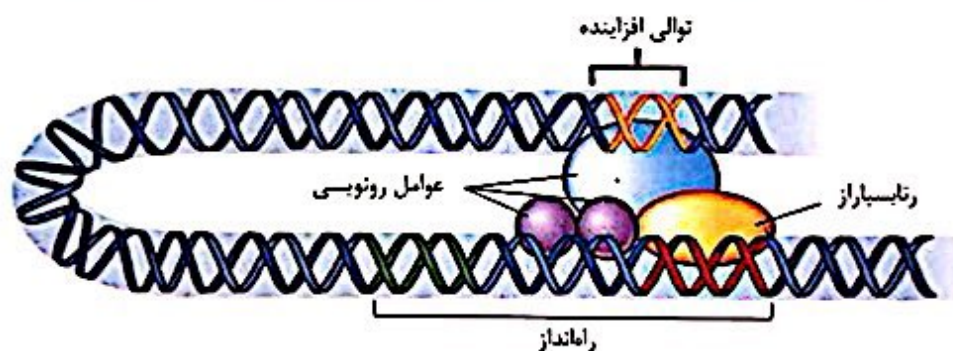
۲. هنگام رونویسی : تنظیم بیان ژن توسط عوامل رونویسی و افزایشده

۳. بعد از رونویسی : تغییرات پردازش mRNA در هسته و انتقال mRNA بالغ به سیتوپلاسم

۴. هنگام ترجمه : چه میزان mRNA به p۲ ترجمه شود. (برخی mRNA ها سریعتر از انواع دیگر توسط ریزوم شناسایی و ترجمه می شود.)

۵. بعد از ترجمه : تغییرات روی محصول p۲ ای (مثلاً حذف قسمتی از پپتید یا اضافه شدن یون مثل کلسیم - تشکیل پیوند کووالان با منقعات) تا p۲ به صورت فعال درآید.

تنظیم بیان ژن پس از رونویسی از طریق مداخله RNA : RNA های غیر کدکنده کوتاه ممکن است بیان ژن های یوکاریوت را توسط میانگشتش با RNA های تولید شده توسط این ژن ها تنظیم کنند. که به این نوع تنظیم را مداخله RNA (RNA interference) یا RNAi می نامند.



شکل ۲۱: توالی افزاینده و عوامل رونویسی متصل به آن

تنظیم بیان ژن در مراحل غیررونویسی



در یوکاریوت ها تنظیم بیان ژن می تواند پیش از رونویسی یا بعد از آن هم انجام شود. اتصال بعضی رناهای کوچک مکمل به رنای پیک از جمله این موارد است. با اتصال این رناها، از کار ریبوزوم جلوگیری می شود. در نتیجه عمل ترجمه متوقف شده و رنای ساخته شده پس از مدتی تجزیه می شود.

روش تنظیم دیگر در سطح کروموزومی است. به طور معمول بخش های فشرده کروموزوم کمتر در دسترس

رنا بسپارازها قرار می گیرند بنابراین یاخته می تواند با تغییر در میزان فشردگی کروموزوم در بخش های

خاصی، دسترسی رنابسپاراز را کم یا زیاد کند.

از روش های دیگر تنظیم بیان ژن که قبلا توضیح داده شد، نقش احتمالی ایترون ها و طول عمر رنای پیک

است. با افزایش تعداد و طول ایترون ها، پروتئین سازی زمان بیشتری می برد. افزایش طول عمر رنای پیک

نیز موجب افزایش محصول می شود. این فرآیندها در کمیت و کیفیت پروتئین سازی موثر خواهند بود.

شیوه های دیگری نیز در تنظیم بیان ژن موثرند که نحوه عمل بسیاری از آنها ناشناخته است.

بیشتر بدانید



بیان ژن در طی مسیر تکاملی جاندار نیز، به روش های مختلفی ممکن است کاهش یا افزایش یابد. یکی از

این روش ها افزایش تعداد ژن هایی است که به محصولات آنها به مقدار زیادی نیاز است. در این موارد

ممکن است یاخته چندین کپی از یک ژن داشته باشد. در نتیجه رونویسی از تعداد بیشتری ژن انجام شود.

این حالت موجب ساخت محصول بیشتر در زمان کمتر می شود. نمونه این ژن ها، ژن های سازنده رنای

ریبوزومی است. نوعی از این رنای ریبوزومی تعداد ۲۴۰۰۰ ژن در یک یاخته دوزیست دارد.

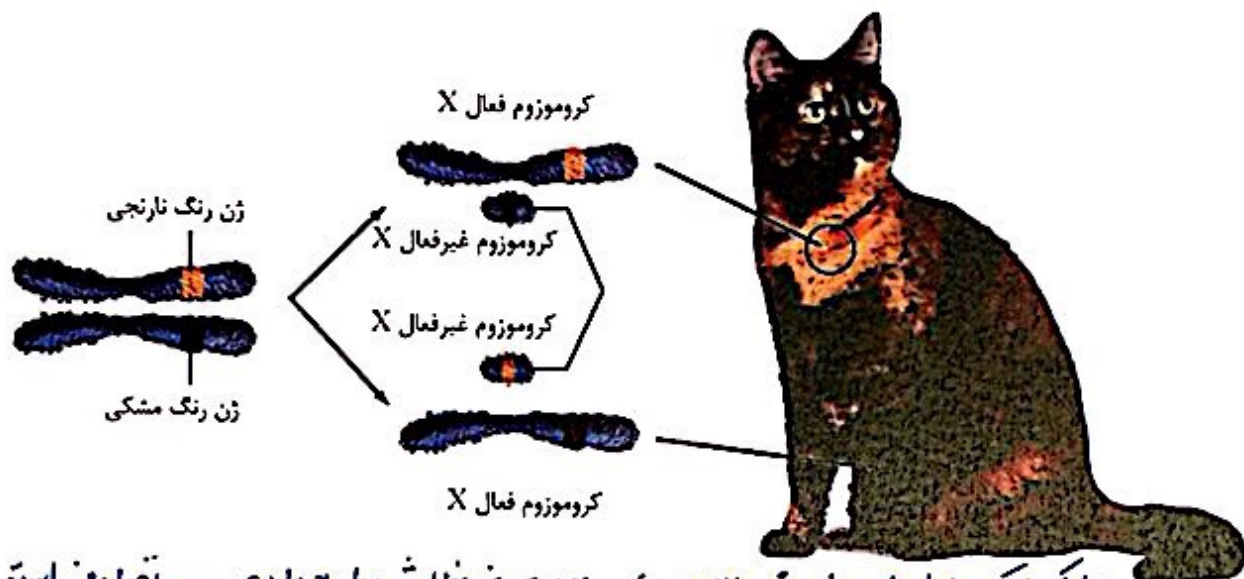
روش دیگر فعال یا غیر فعال کردن برخی کروموزوم ها مانند کروموزوم X در انسان است. چون در یاخته های

بیکری زن دو نسخه از کروموزوم X و در مرد یک نسخه وجود دارد، برای بیان متعادل در دو جنس، یکی

مثال افزایش  
مثال کاهش

حزب ۸۵٪ - ژن‌های یکی از Xها غیرفعال می‌شوند.

از کروموزوم‌های X در باخته‌های زن غیر فعال می‌شود تا ژن‌های آن بیان نشوند. در اثر این فرآیند ژن‌های کروموزوم X در زن و مرد، به یک نسبت بیان می‌شود. مثالی از بیان ژن‌های روی کروموزوم X و اثرات آن بر روی صفات را در تصویر زیر مشاهده می‌کنید.



- اشته در یک سلول ماده یا تر XY ، X پیری غیرفعال شود یا X مادری تضاد می‌آید.
- تمام بافت‌های پستانداران ماده نوزاد XX و نوزاد نر XY - سوزشگی از دو نوع سلول هستند.

گیلبرت ↓

• رونوشت Xist در فواصل نزدیک و روی کروموزومی که آن را ساخته است عمل می‌کند. وقتی سلول‌ها تمایز خود را آغاز می‌کنند Xist RNA روی یکی از دو کروموزوم X (در فرد XX) قرار می‌گیرد.

• رونوشت Xist نامزد خوبی به عنوان آغازگر غیرفعال سازی X به حساب می‌آید. پس از آنکه Xist غیرفعال سازی یک کروموزوم X را آغاز کرد خاموش کردن آن کروموزوم حداقل به دو روش انجام می‌شود: (هر دو در سطح قبل از رونویسی)  
 ۱) متیلاسیون DNA  
 ۲) تغییرات هیستون

۳) (مثالی از غیرفعال شدن افتراقی ژن‌ها در سطح رونویسی)

- ۱. فرضیه‌های لیون: ۱. در مراحل بسیار ابتدایی تکون پستانداران ماده هر دو کروموزوم X فعال هستند.
- ۲. با پیشرفت تکون، یکی از کروموزوم‌های X در هر سلول غیرفعال می‌شود.
- ۳. این غیرفعال شدن به طور تصادفی است. در بعضی سلولها X مادری و در بعضی X پیری غیرفعال می‌شود.
- ۴. این فرآیند برگشتناپذیر است. پس از آن که یک کروموزوم X در یک سلول غیرفعال شد، در همه‌ی زاده‌های آن سلول همان کروموزوم X غیرفعال می‌شود. از آن جا که غیرفعال شدن کروموزوم X در مراحل اولیه تکون انجام می‌شود، ناحیه‌ای که سلولهای آن مشتق از یک سلول منقرض اولیه هستند، کروموزوم X غیرفعال یکسانی دارند. بنابراین تمام بافت‌های پستانداران ماده سوزشگی از دو نوع سلول هستند.

↑ گیلبرت ↓

• استثنائات در مورد قانون تضاد می‌بودن الگوی غیرفعال شدن وجود دارد. مثلاً گربه‌های چیت ↓  
 • رنگ پوست تعدادی از پستانداران نر دور از انتظار است، مگر آن که غیرفعال شدن X در آنها رخ داده باشد.  
 • گربه‌های چیت (Calico cat) از این دسته‌اند. به طور طبیعی رنگ‌های نارنجی و سیاه در ماده‌ها دیده می‌شود. تصویر می‌شود که حاصل غیرفعال شدن تضاد کروموزوم X است. اما نرهای نادری هم این رنگ‌ها را نشان می‌دهند. این نرها XY هستند و یکی X آنها غیرفعال شده است و سلولهای آنها یک جسم بزرگ دارند.

# پیاموز | Biamoz.com

بزرگترین مرجع آموزشی و نمونه سوالات درسی تمامی مقاطع

شامل انواع | نمونه سوالات | فصل به فصل | پایان ترم | جزوه |

ویدئوهای آموزشی | گام به گام | طرح درس | طرح جابر | و ...

اینستاگرام

گروه تلگرام

کانال تلگرام

برای ورود به هر پایه در سایت ما روی اسم آن کلیک کنید

## دبستان

اول	دوم	سوم	چهارم	پنجم	ششم
-----	-----	-----	-------	------	-----

## متوسطه اول

هفتم	هشتم	نهم
------	------	-----

## متوسطه دوم

دهم	یازدهم	دوازدهم
-----	--------	---------